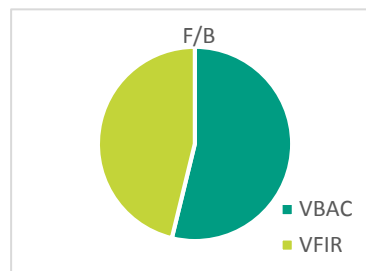


Panel de Indicadores de Disbiosi Bacteriana Intestinal

ID Muestra Paciente	DB0311	Tipo de muestra Fecha recepción	Heces 22/10/2019	Método qPCR
------------------------	--------	------------------------------------	---------------------	----------------

Grupo funcional		Grupo filogenético	
O	Oportunista	GP	γ-Proteobacterias
P	Proteolítico	CXIV	Clostridium grupo XIV
E	Equilibrio	FC	Firmicutes
I	Inmunoprotectora	BA	Bacteroidetes
HM	Homeostasis de la mucosa	LB	Lactobacilares
PI	Proinflamatoria	CL	Clostridiales
PM	Productor de metano	VR	Verrucomicrobiales



FUN	FIL	Espécie/Taxon	Met	UGN/g*		Valores guía
<b>Equilibrio</b>						
E	FC	Firmicutes	Sybr	1,74E+10	●	1,28E+10
E	BA	Bacteroidetes	Sybr	2,40E+10	●	3,49E+09
<b>Inmunoprotectora</b>						
I	LB	Lactobacillus	Sybr	2,13E+07	●	5,31E+07
<b>Homeostasis de la mucosa</b>						
MD	CL	Ruminococcus	Sybr	1,86E+09	●	2,09E+09
MN	VR	Akkermansia	Sybr	4,21E+04	●	2,18E+07
MN	CL	<i>F. prausnitzii</i>	Probe	7,60E+09	●	1,09E+10
MN	CIV	Roseburia	Sybr	4,48E+08	●	6,37E+08
<b>Proteolítico</b>						
P	CL	Clostridium I	Sybr	1,25E+07	●	8,17E+07
P	CXIV	Clostridium XIV	Sybr	6,45E+09	●	1,08E+10
P	LB	Enterococcus sp	Sybr	1,24E+04	●	2,99E+05
<b>Proinflamatoria</b>						
PI	GP	γ-Proteobacteria	Sybr	2,67E+08	●	8,51E+07
PI	GP	<i>E. coli</i>	Probe	1,32E+06	●	1,14E+08
<b>Metanogénicos</b>						
PM		<i>M. smithii</i>	Sybr	1,81E+03	●	1,88E+05
<b>Levaduras/Oportunistas</b>						
		Candida	Sybr	ND		7,42E+02
<b>Carga bacteriana</b>						
		Eubacterias		5,94E+10	●	4,71E+10
<b>Indicador de equilibrio</b>						
E	FC/BA	Relación FIRM/BACT		-0,14		-0,21
<b>Índice de disbiosis (F/E)</b>						
Disb	F/E	Relación F.pra/E.coli		3,76	●	1,96 ± 1,29

\*Unidades genómicas normalizadas por gramo de materia fecal

ND: No Detectado

## Resumen

ID Muestra	DB0311	Tipo de muestra	Heces	Método
Paciente		Fecha recepción	22/10/2019	qPCR

Grupo funcional		Grupo filogenético	
O	Oportunista	GP	GammaProteobacterias
P	Proteolítico	CXIV	Clostridium grupo XIV
E	Equilibrio	FC	Firmicutes
I	Inmunoprotectora	BA	Bacteroidetes
HM	Homeostasis de la mucosa	LB	Lactobacilares
PI	Proinflamatoria	CL	Clostridiales
PM	Productor de metano	VR	Verrucomicrobiales

Log N

Indicadores bacterianos			1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
E	FC	Firmicutes											✓		
E	BA	Bacteroidetes											✓		
I	LB	<i>Lactobacillus</i>									✓				
HM	CL	<i>Ruminococcus</i>											✓		
HM	VR	<i>Akkermansia</i>													
HM	CL	<i>F. prausnitzii</i>												✓	
HM	CXIV	<i>Roseburia</i>													
P	CL	Clostridium grupo I													
P	CXIV	Clostridium grupo XIV													
P	LB	<i>Enterococcus</i> sp													
PI	GP	$\gamma$ -Proteobacteria													
PI	GP	<i>E. coli</i>													
PM		<i>M. smithii</i>													
O		<i>Candida</i>	✓												
Carga bacteriana			2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14
Eub		Eubacterias													

Log N

Indicador de equilibrio*		-2	-1	0	1	2
E	FC/BA Relación FIRM-BACT					X

\*ref. microbiota occidental

Log N

Índice de disbiosis (F/E)			-1	0	1	2
Disb	F/E	Relación Fpra/Ecoli				✓

### Firmas

Dr. Jesús García-Gil  
Director Científico

Dispositivo médico para diagnóstico *in vitro* diseñado, fabricado y puesto en servicio dentro de un Sistema de Gestión de la Calidad certificado de acuerdo con la norma ISO 13485:2016 (MD 697873)

Dra. Mariona Serra  
Directora Técnica

### Comentarios

Microbiota normal y equilibrada con niveles correctos de todos los indicadores excepto de *Akkermansia*, que puede ser transitorio atendiendo los valores adecuados del resto de indicadores de mucosa. Índice de disbiosis (F / E) excelente.